

MethylTargetTM标准评估报告

Version 2.0

上海天昊生物科技有限公司

MethylTargetTM甲基化位点评估作为项目合同签订前的技术评估，目的在于明确目标基因/片段的CpG岛以及相关序列信息，用于判断实验的可行性以及估算项目所需的片段数和体系数。该评估报告由以下2部分组成：

1. **评估标准**
2. 寻找基因转录起始位点上游2K到第一外显子下游1K区域内CpG岛(包含所有剪切方式)。

CpG岛评估的参数为：

Observed/Expected ratio > 0.60，

Percent C + Percent G > 50.00％，

Length >200bp。

1. 片段数评估
2. 常规 (默认评估)：每个CpG岛预计设计一对引物进行检测，对于较长的CpG岛增加(200bp-1K，1对，1K-2K，2对，依此类推)；常规模式每个片段至少检测7个CpG位点。
3. 全覆盖：按照每个CpG岛长度进行计算；
4. 客户指定区间：对指定区间全片段进行引物设计。
5. 体系数按照每6个片段一个体系估算。
6. **评估结果**

根据公司<MethylTarget标准评估方法>进行操作，对照评估标准，评估结果如下表：

|  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- |
| MethylTarget评估结果 | | | | |
| 销售代表 |  | | 研究物种名称 | 人源 |
| 参考基因组数据库 | GRCh37 | | 样本类型 |  |
| 其它参考信息 |  | | | |
| **片段总数** | | **273** | | |
| **富集需要的体系** | | **48个体系** | | |
| 注1：该评估结果是通过生物信息学方法完成的初评估，作为成本核算和体系优化的参考，实际实验时的片段数和体系数以最后项目报告中的为准(经过实验优化)。  注2：由于处理后的序列复杂度降低，最终会有一定比例的片段无法优化成功，无法进行检测。以实际优化沟通为准。  注3：具体信息参照“MethylTarget评估附表”。  特殊区域备注：  注4：目标区域存在高同源问题，会导致扩增出大量同源区域，可能使得目标区域扩增失败或结果为包含大量同源片段的混合结果。这些区域无法保证实验成功以及结果准确性。  注5：由于处理后的序列复杂度降低，部分区域无法设计引物检测。如强行降低条件，可以尝试检测，但这些区域不保证优化成功率。 | | | | |

**重要提示：**

当您收到此评估报告之后，请尽快核查基因名称、评估信息是否与您提供的相符。如果您的位点未通过我们的评估，我们将尽快与您联系后续剔除和更换位点事宜。如果您对此结果有任何疑问请及时联系我们，我们将竭诚为您服务！

**联系信息**

联系人： 上海天昊遗传分析中心检测部 江蒙蒙

电话： 021-50802060-114

邮件： jiangmm@geneskies.com

地址： 上海市浦东新区康桥路787号9号楼西门